

REPLACEMENT SHEET

4/11

SEQ ID 1 ATGAGAGGATCGCATCACCATCACCATCACGGATCTAAACCACATATCGATAATTATCTT 60
SEQ ID 2 TACTCTCCTAGCGTAGTGGTAGTGGTAGTGCCTAGATTTGGTGTATAGCTATTAATAGAA
SEQ ID 3 M R G S H H H H H H G S K P H I D N Y L

CACGATAAAGATAAAGATGAAAGGATTGAACAATATGATAAAAAATGTAAAAGAACAGGCG 120
GTGCTATTTCTATTTCTACTTTCCTAACTTGTTATACTATTTTACATTTTCTTGTCCGC
H D K D K D E R I E Q Y D K N V K E Q A

AGTAAGGATAAAAAAGCAGCAAGCTAAACCTCAAATTCCGAAAAGATAAATCGAAAGTGGCA 180
TCATTCCTATTTTTCGTCGTTTCGATTTGGAGTTTAAGGCTTTCTATTTAGCTTTACACGT
S K D K K Q Q A K P Q I P K D K S K V A

GGCTATATTGAAATTCAGATGCTGATATTAAAGAACCAGTATATCCAGGACCAGCAACA 240
CCGATATAACTTTAAGGTCTACGACTATAATTTCTTGGTCATATAGGTCCTGGTCGTTGT
G Y I E I P D A D I K E P V Y P G P A T

CCTGAACAATTAAATAGAGGTGTAAGCTTTGCAGAAGAAAATGAATCACTAGATGATCAA 300
GGACTTGTTAATTTATCTCCACATTCGAAACGTCTTCTTTTACTTAGTGATCTACTAGTT
P E Q L N R G V S F A E E N E S L D D Q

AATATTTCAATTGCAGGACACACTTTTCATTGACCGTCCGAACTATCAATTTACAAATCTT 360
TTATAAAGTTAACGTCCTGTGTGAAAGTAACTGGCAGGCTTGATAGTTAAATGTTTAGAA
N I S I A G H T F I D R P N Y Q F T N L

AAAGCAGCCAAAAAAGGTAGTATGGTGTACTTTAAAGTTGGTAATGAAACACGTAAGTAT 420
TTTCGTCGGTTTTTTTCCATCATAACCACATGAAATTTCAACCATTACTTTGTGCATTCTA
K A A K K G S M V Y F K V G N E T R K Y

AAAATGACAAGTATAAGAGATGTTAAGCCTACAGATGTAGAAGTTCTAGATGGATCCGCA 480
TTTTACTGTTTCATATTCTCTACAATTCGGATGTCTACATCTTCAAGATCTACCTAGGCGT
K M T S I R D V K P T D V E V L D G S A

TGCGAGCTCGGTACCCCGGGTCGACCTGCAGCCAAGCTTAATTAG 525
ACGCTCGAGCCATGGGGCCCAGCTGGACGTCGGTTCGAATTAATC
C E L G T P G R P A A K L N *

Figure 4a